

**Klinische Studien, Epidemiologie, Modellierung und Medizininformatik**  
**Wissenschaftliches Jahreskolloquium IMISE/ZKS/IZBI - 14.-15.03.2019**

**Ort: BBZ, Deutscher Platz 5, Leipzig**

14.03.		Zeit	Titel	Referent	Fachgebiet
		08:45	Begrüßung	Prof. Dr. Markus Löffler	
A	1	09:00	Markov-Modell des Krankheitsverlaufs bei hospitalisierter Pneumonie	Dr. Jens Przybilla	Bioinformatik/Systembiologie
A	2	09:20	Biomathematisches Modell des Eisenstoffwechsels	Dr. Sibylle Schirm	Bioinformatik/Systembiologie
A	3	09:40	Follow-up der LIFE-Heart Studie	Sylvia Henger	Epidemiologie
		10:00	PAUSE		
A	4	10:20	Genomweite Assoziationsstudie zu Sexualhormonen und kardiovaskulärem Risiko	Janne Pott	Genetische Statistik/Bioinformatik
A	5	10:40	Qualitätskontrolle und Präprozessierung von Metabolomdaten	Carl-Friedrich Beuchel	Genetische Statistik/Bioinformatik
A	6	11:00	Schätzung von HLA-Genotypen und Assoziation mit dem Schwereverlauf bei Pneumonie	Dr. Peter Ahnert	Genetische Statistik/Bioinformatik
A	7	11:20	Genomweite Assoziationsstudie zum Harnstoff - Ergebnisse des CKDGen-Konsortiums	Dr. Holger Kirsten	Genetische Statistik/Bioinformatik
A	8	11:40	Predicting 30-day mortality in patients with acute myocardial infarction complicated by cardiogenic shock	Dr. Maciej Rosolowski	Genetische Statistik/Bioinformatik
		12:00	PAUSE		
B	1	13:00	Serumalbumin als Prognosefaktor bei Patienten mit aggressivem B-Zell-Lymphom	Dr. Bettina Altmann	Klinische Studien/Biometrie
B	2	13:20	FLYER - eine Nichtunterlegenheitsstudie bei Niedrigrisikopatienten mit aggressivem B-Zell-Lymphom	Dr. Marita Ziepert	Klinische Studien/Biometrie
B	3	13:40	MRT-basierte Brustkrebsfrüherkennung bei Hochrisikopatientinnen: Ergebnisse aus dem Deutschen Konsortium Familiärer Brust- und Eierstockkrebs	Dr. Christoph Engel	Klinische Studien/Biometrie
B	4	14:00	Validierung des Brustkrebs-Risikovorhersageprogramms BOADICEA: Ergebnisse aus dem Deutschen Konsortium Familiärer Brust- und Eierstockkrebs	Dr. Silke Zachariae	Klinische Studien/Biometrie
B	5	14:20	Tissue penetration of antibiotics: Are pharmacokinetic targets reached in obese patients? An IFB clinical trial using micro-dialysis	Dr. David Petroff	Klinische Studien/Biometrie
B	6	14:40	NAKO Gesundheitsstudie - Ein Update	Dr. Kerstin Wirkner	Epidemiologie
		15:00	PAUSE		
C	1	15:30	Renaissance of machine learning in data science	Dr. Henry Löffler-Wirth	Bioinformatik/Systembiologie
C	2	15:50	Maps of Diseases	Dr. Hans Binder	Bioinformatik/Systembiologie
C	3	16:10	Das dicke Ende zuletzt: Selbstorganisation der Kryptenform <b>oder</b> Modellierung der Selbstorganisation der Kryptenform	Dr. Torsten Thalheim	Bioinformatik/Systembiologie
C	4	16:30	Der alternde Darm : DNA Schäden und die epigenetischen Konsequenzen	Dr. Jörg Galle	Bioinformatik/Systembiologie
C	5	16:50	Automatischen Bildanalyse für immunohistochemisch gefärbte DLBCL-Präparate	Dr. Marcus Wagner	Bioinformatik/Systembiologie
D	1	17:10	PhenoMan: Otologie-basierte Modellierung und Reasoning von Phänotypen	Dr. Alexander Uciteli	Ontologien
D	2	17:30	Kontexte in Ontologien	Ralph Schäfermeier	Ontologien
D	3	17:50	COMPASS: Ontologie-basierte Navigation in der Endoskopie	Kais Tahar	Ontologien
		18:15	ENDE		

15.03.		Zeit	Titel	Referent	Fachgebiet
D	4	09:00	FAIR4Health	Matthias Löbe	Med. Informatik
D	5	09:20	Entwurf komplexer Informationssysteme: 3LGM <sup>2</sup> IHE und SMITH-IOP	Sebastian Stäubert	Med. Informatik
D	6	09:40	Agile Forschung: Entwicklung der Health IT Ontology (HITO)	Franziska Jahn	Med. Informatik
D	7	10:20	Anwendungen der SNIK-Graphvisualisierung	Dr. Birgit Schneider	Med. Informatik
D	8	10:40	SMITH: Versorgungsdaten basierte Machbarkeitsanalysen für klinische Studien – ein Ausblick	Dr. Frank Meineke	Med. Informatik
		11:00	ENDE		

Die Mensa im BBZ sichert an beiden Tagen eine zuverlässige Versorgung zum Mittag (Selbstzahler). Getränke sind selbst mitzubringen oder auch in der Mensa kaufen.