

Tag 1		Zeit	Titel	Referent	Fachgebiet
		09:00	Begrüßung	Markus Löffler	
A	1	09:15	Weight-loss Endoscopy Trial (WET): a multi-center, randomized, controlled trial comparing weight loss in endoscopically implanted duodenal-jejunal bypass liners vs. intragastric balloons vs. a sham procedure	David Petroff	Klinische Studien/Biometrie
A	2	09:30	The GRAFT trial: serial G-CSF injections as add-on treatment in high-risk patients with an acute decompensated cirrhosis ("Acute-on-Chronic Liver Failure" syndrome)	Annegret Franke	Klinische Studien/Biometrie
A	3	09:45	EFFECT-Studie: Gewinnung von Studiendaten aus Krankenhaus- und Laborinformationssystemen	Norbert Köhler	Klinische Studien/Biometrie
A	4	10:00	EFFECT of daily antiseptic body wash with octenidine on ICU-acquired primary bacteraemia and ICU-acquired multidrug-resistant organisms in intensive care units: a multicentre, cluster-randomised, double-blind, crossover study - Results	Dirk Hasenclever	Klinische Studien/Biometrie
A	5	10:15	Cessation of nucleos(t)ide treatment in HBeAg-negative chronic hepatitis B: A randomized controlled trial (STOP-NUC)	Oana Brosteanu	Klinische Studien/Biometrie
A	6	10:30	Wenn man nicht sieht, was man erwartet hat -- die CAT-PVC-Studie	Marcus Wagner	Klinische Studien/Biometrie
		10:45	PAUSE		
B	7	11:15	Systematische Beschreibung von Libre/Free Open Source Software mit der Health IT Ontology	Franziska Jahn/Konrad Höffner	Med. Informatik
B	8	11:30	SMITH-Academy	Birgit Schneider	Med. Informatik
B	9	11:45	Neuer Studiengang Medizininformatik	Alfred Winter	Med. Informatik
B	10	12:00	Der 6. Projektathon der MII – die "Nagelprobe" der Medizininformatik-Initiative	Frank Meineke	Med. Informatik
B	11	12:15	EU-Projekt FAIR4Health	Matthias Löbe	Med. Informatik
		12:30	Diskussionszeit		
		12:45	PAUSE		
B	12	13:45	DFG-Projekt 3LGM2 und SMITH-TPM	Sebastian Stäubert	Med. Informatik
B	13	14:00	Erfahrungen mit Software Container Einsatz in LIFE, LHA, NFDI4Health und POLAR	Jonas Wagner	Med. Informatik
C	14	14:15	NT-proBNP als Marker bei Vorhofflimmern. Idee, Vorhaben und Inhalt des MII Projekathons	Samira Zeynalova	SMITH
C	15	14:30	DUP "Schenkelhalsfraktur, Allergie und Herzstillstand"	Samira Zeynalova/Ulrike Schoenwiese/Ute Enders/Nigar Reyes/ Fakler	SMITH
C	16	14:45	Von der LIFE-Biobank zur Leipzig Medical Biobank - Entwicklungen der letzten 10 Jahre	Ronny Baber	LIFE
		15:00	PAUSE		

Tag 1		Zeit	Titel	Referent	Fachgebiet
D	17	15:30	Komponentenbasierte Objekterkennung: Neural-symbolische Integration durch Anwendung der Geon-Theorie im maschinellen Lernen: Erste Ergebnisse aus dem COMPASS-Projekt	Ralph Schäfermeier	Ontologien
D	18	15:45	Rehatrack- Ermittlung der sozialen Teilhabe mittels Wearables während der Rehabilitation	Stefan Kropf/Paul-Robert Kästner	Ontologien
D	19	16:00	TOP: Terminologie- und Ontologiebasiertes Phänotypisierungsframework (TOP)	Christoph Beger/Franz Matthies/Alexandr Uciteli	Ontologien
D	20	16:15	Von der Finanzmathematik zur Kardiologie aus dem Cardisio-Projekt	Alexander Passow	Ontologien
D	21	16:30	GFO 2.0: Architektur, Komponenten und Anwendungen	Frank Löbe/Patryk Burek/Heinrich Herre	Ontologien
		16:45	Diskussionszeit		
		17:00	ENDE		

Tag 2	Zeit	Titel	Referent	Fachgebiet
E	22 09:00	Lifestyle-related modulation of biomarkers in gBRCA1/2 mutation carriers: results of the LIBRE-1 study	Maryam Yahiaoui-Doktor	Epidemiologie
E	23 09:15	Neue Ergebnisse aus dem Konsortium Familiärer Darmkrebs	Karolin Bucksch	Epidemiologie
E	24 09:30	HerediCaRe: Ein modellhaftes Register für die Versorgungsforschung	Christoph Engel	Epidemiologie
E	25 09:45	HerediVar - eine neue kollaborative Plattform zur automatisierten Klassifikation von genetischen Varianten	Silke Zachariae	Epidemiologie
E	26 10:00	Ergebnisse der AG Sekundär Daten: Überleben und Validierung selbstberichteter Morbidität von den Teilnehmern der epidemiologischen Studien	Samira Zeynalova	Epidemiologie
E	27 10:15	Einschätzung des Ernährungszustandes bei LIFE-ADULT	Maryam Yahiaoui-Doktor	Epidemiologie
	10:30	PAUSE		
F	28 11:00	Genomweite Assoziationsstudie zu Zytokinen bei Patienten mit Pneumonie	Andreas Kühnapfel	Genetische Statistik
F	29 11:15	Kausale Zusammenhänge des Hormonstatus mit Übergewicht und koronarer Herzerkrankung	Janne Pott	Genetische Statistik
F	30 11:30	Zusammenhänge des Metaboloms mit kardiovaskulären Phänotypen in LIFE-Adult und LIFE-Heart	Carl Beuchel	Genetische Statistik
F	31 11:45	Genomweite Assoziationsstudie zu Phytosterolen	Markus Scholz/Katrin Horn	Genetische Statistik
F	32 12:00	Follow-up der LIFE-Heart Studie	Silvia Henger	Genetische Statistik
F	33 12:15	Interspeziesanalysen von Tiermodellen auf Einzelzellgenexpressionsebene	Holger Kirsten	Genetische Statistik
F	34 12:30	Einfluss von Medikamenteneinnahmen auf die Genexpression im Blut	Michael Rode	Genetische Statistik
	12:45	Diskussionszeit		
	13:00	PAUSE		
G	35 13:45	Epidemiologisches Modell von Pneumokokken-Serotypen	Matthias Horn	Modellierung
G	36 14:00	Biomathematisches Modell der Atherosklerose in Mäusen	Sybille Schirm	Modellierung
G	37 14:15	Parametrisierung von COVID-19 epidemiologischen Modellen	Yuri Kheifetz	Modellierung
G	38 14:30	NARX-Modellierung zur Beschreibung von Zeitreihendaten	Marie Zech	Modellierung
	14:45	Abschlussbesprechung		
	15:15	ENDE		

Die Mensa sichert an beiden Tagen eine zuverlässige Versorgung (Selbtzahler). Getränke sind selbst mitzubringen oder auch in der Mensa kaufen.